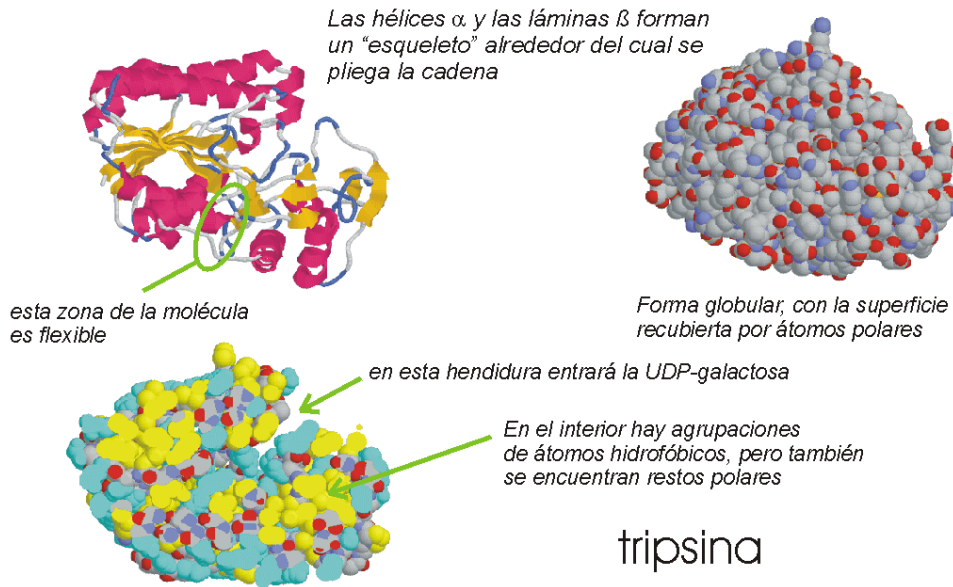
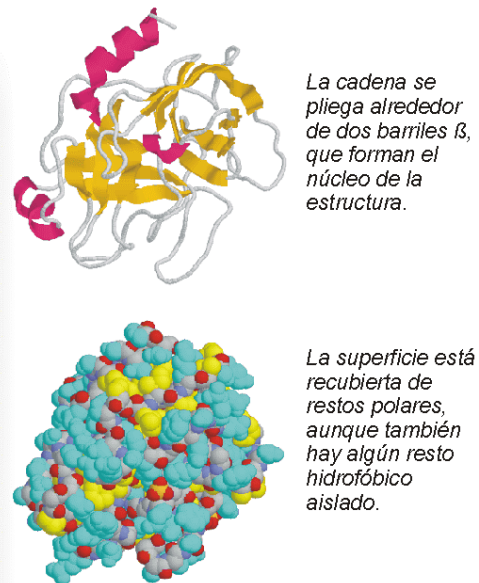
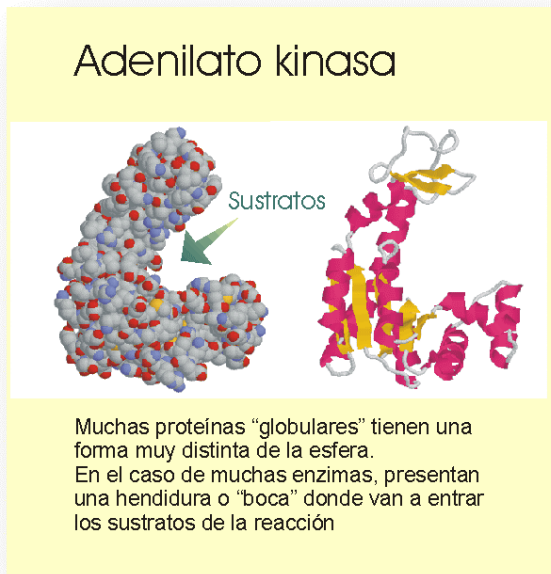


## Estructura terciaria 1: Proteínas Globulares

### UDP-galactosa epimerasa



### tripsina



#### CREDITOS

Tripsina de salmón 1AOJ 223 aminoácidos  
H.K.SCHROEDER, N.P.WILLASSEN y A.O.SMALAAS

Adenilato kinasa de *E.coli* 4AKE 214 aminoácidos  
G.J.SCHLAUDERER y G.E.SCHULZ

UDP-Galactosa epimerasa de *E.coli* 1KVU 338 aminoácidos  
J.B.THODEN, A.GULICK,H y .M.HOLDEN

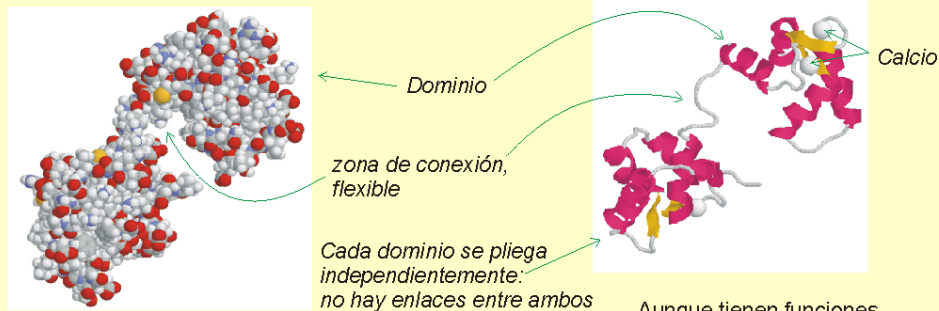


## Estructura terciaria 2: Dominios

Frecuentemente una cadena polipeptídica se pliega en dos o más zonas independientes. A cada una de estas zonas de plegamiento se le denomina DOMINIO. Pueden ser iguales o diferentes entre sí.

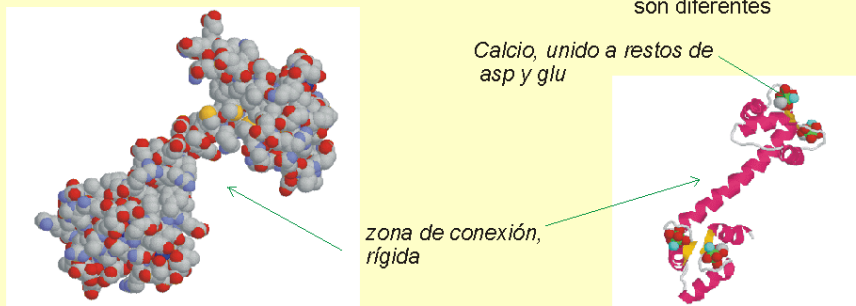
Estas dos proteínas tienen función reguladora, y se activan cuando unen calcio. Ambas poseen dos dominios globulares muy parecidos, donde unen Ca, separados por un brazo central

### Troponina C



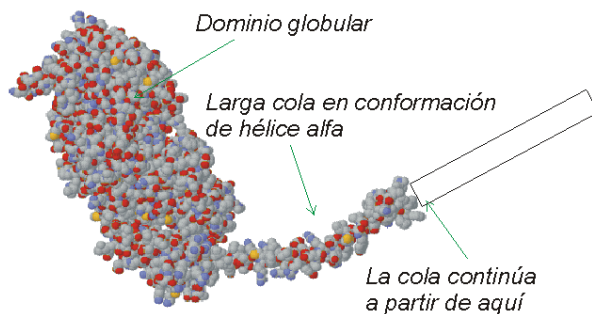
Aunque tienen funciones similares: unir dos iones calcio, la estructura de los dominios de estas proteínas son diferentes

### Calmodulina



Muchas veces los dominios de una proteína son completamente diferentes en su estructura:

### Miosina (fragmento de la cadena pesada)



Troponina C 1AJ4  
161 aas.  
S.K.SIA, M.X.LI, L.SPYRACOPOULOS, S.M.GAGNE, W.LI  
U, J.A.PUTKEY, y B.D.SYKES

Calmodulina de buey 1CM1  
148 aas.  
M.E.WALL y G.N.PHILLIPS  
JUNIOR

Miosina (fragmento de la cadena pesada) 2MYS  
843 aas.  
I.RAYMENT, W.R.RYPNIEWSKI, K.SCHMIDT-  
BASE, R.SMITH, D.R.TOMCHICK, M.M.BENNING, D.A.WI  
NKELMANN, G.WESENBERG y H.M.HOLDEN

